Cattery MC’B Coons                                   LABOKLIN GmbH&CoKG  
                          Steubenstraβe 4  
                           DE-97688 Bad Kissingen  
Leiden                            Fax-Nr.: +49 971 68546  
Niederlande                              Tel.:    +49 971 72020  
  
                                         **Report**  
                                         No.: 2110-W-83622  
                                         Date of arrival:   05-08-2024  
                                         Testing started:   05-08-2024  
                                         Date of report:    08-08-2024  
                                         Testing completed: 08-08-2024  
+---------------------------------------------------------------  
| Patient identification: Cat Male  \* 29-02-2024  
| Maine Coon                               
| Owner / Animal-ID:mcbcoons                              
| Type of sample:         Swab                                   Date sample was taken:  01-08-2024                             
+---------------------------------------------------------------  
         
Parameter    Value             Reference value  
Name:  **Raffael**         ZB-Nummer:                   
chipNummer:                                 
 Hypertrophic cardiomyopathy (HCM) - PCR  
   
 Result: Genotype N/N  
   
 Interpretation: The examined animal is homozygous for the  
 wildtype-allele. It does not carry the causative mutation for  
 Hypertrophic Cardiomyopathy in the MYBPC3-gene (A31P).  
   
 Trait of inheritance: autosomal-dominant  
   
 Scientific studies found correlation between the mutation and  
 symptoms of the disease in the following breeds:  
 Maine Coon and related breeds  
   
 Hypertrophic Cardiomyopathy (Ragdoll) - PCR  
  
 Result: Genotype N/N  
   
 Interpretation: The examined animal is homozygous for the  
 wildtype-allele. It does not carry the causative mutation for  
 Hypertrophic Cardiomyopathy in the MYBPC3-gene (R820W).  
   
 Trait of inheritance: autosomal-dominant  
   
 Scientific studies found correlation between the mutation and  
 symptoms of the disease in the following breeds:  
 Ragdoll and related breeds  
       
Polycystic kidney disease (PKD) - PCR  
   
 Result: Genotype N/N  
   
 Interpretation: The examined animal is homozygous for the   
 wildtype-allele. It does not carry the causative mutation for   
 Polycystic Kidney Disease in the PKD1-gene.  
   
 Trait of inheritance: autosomal-dominant  
       
Pyruvatkinase Deficiency:  
  
 Result: Genotype N/N  
   
 Interpretation: The examined animal is homozygous for the   
 wildtype-allele. It does not carry the causative mutation   
 for Pyruvate Kinase Deficiency in the PKLR-gene.  
   
 Trait of inheritance: autosomal-recessive   
       
Progressive Retinal Atrophy (rdAc-PRA):  
  
 Result: Genotype N/N  
   
 Interpretation: The examined animal is homozygous for the  
 wildtype-allele. It does not carry the causative mutation for  
 Progressive retinal atrophy (rdAc-PRA) in the CEP290-gene.  
   
 Trait of inheritance: autosomal-recessive       
Genetic determination of bloodgroup - PCR  
  
 Result: Genotype N/b  
   
 Interpretation: The examined animal is heterozygous for one  
 of the causative genetic variants found in correlation with the  
 serologic blood group B so far.  
   
 The test detects the genetic variants of the alleles b and c.  
 Allelic series: N>c>b  
   
 Scientific studies found correlation between the allele c and  
 the serologic blood group AB (C) exclusively for Ragdoll cats.  
       
Feline Spinal Muscular Atrophy (SMA) - PCR  
  
 Result: Genotype N/N  
   
 Interpretation: The examined animal is homozygous for the  
 wildtype-allele. It does not carry the causative mutation for  
 Spinal Muscular Atrophy in the LIX1-LNPEP-gene.  
   
 Trait of inheritance: autosomal-recessive  
   
 Scientific studies found correlation between the mutation and  
 symptoms of the disease in the following breeds:  
 Maine Coon and related breeds  
       
Glycogen storage disease (GSDIV) - PCR  
  
 Result: Genotype N/N  
   
 Interpretation: The examined animal is homozygous for the  
 wildtype-allele. It does not carry the causative mutation for  
 Glykogen storage disease Type IV in the GBE1-gene.  
   
 Trait of inheritance: autosomal-recessive  
   
 Scientific studies found correlation between the mutation and  
 symptoms of the disease in the following breeds:  
 Norwegian forest cat and related breeds   
These results are based on the sample material submitted to our laboratory.  
  
This was suitable if not stated otherwise. The submitter is responsible for the accuracy of the  
information regarding the sample. This report can only be transmitted in toto and unchanged.  
Doing otherwise requires written permission from Laboklin GmbH & Co. KG.  
  
LABOKLIN is an accredited laboratory according to DIN EN ISO/IEC 17025:2018, DAkkS No.  
D-PL-13186-01-01 and D-PL-13186-1-02. The accreditation applies to all test procedures  
listed in the accreditation certificate.  
\*\*\* END of report \*\*\*                                         Fr. Dipl.-Ing. Christina Dangel  
  Abt. Molekularbiologie